



B0271

**PROTEOMA COMPARATIVO DE MITOCÔNDRIA: UMA ANÁLISE DE CAMUNDONGO TRANSGÊNICO HIPERTRIGLICERIDÊMICO VERSUS CAMUNDONGO NORMO TRIGLICERIDÊMICO**

Hugo Takeda Caetano (Bolsista PIBIC/CNPq) e Prof. Dr. José Camillo Novello (Orientador), Instituto de Biologia - IB, UNICAMP

A proteômica, através do estudo das diversas propriedades das proteínas, tem-se tornado ao longo dos últimos anos uma ferramenta cada vez mais essencial para o melhor entendimento dos mecanismos efetores e regulatórios das células e para a investigação de processos metabólicos específicos. Patologias de origem genética como a hipertrigliceridemia, que provocam o aumento dos níveis de triglicérides e ácidos graxos livres, estão relacionadas com diversas doenças cardiovasculares. Camundongos geneticamente modificados para super expressarem a apolipoproteína CIII humana apresentam uma elevada respiração de repouso (estado IV) mitocondrial. Devido a essa alteração na funcionabilidade mitocondrial estar associada às elevadas concentrações plasmáticas de triglicérides e ácidos graxos livres, propõe-se o estudo comparativo do proteoma de mitocôndria obtida destes animais transgênicos com o proteoma de camundongos controles não transgênicos. Para tanto, foram utilizadas eletroforese bidimensional (2D) e espectrometria de massas para a confecção dos mapas 2D comparativos e identificação das proteínas diferencialmente expressas, trabalho este que poderá auxiliar na identificação de novos alvos moleculares para o estudo da funcionabilidade mitocondrial.

Proteoma - Mitocôndria - Eletroforese bidimensional