

Determinação dos polimorfismos da interleucina-28B nos pacientes com coagulopatias hereditárias e sua associação ao clearance espontâneo do vírus da hepatite C.

Luiz H. Z. Basso (IC), **Lúcia H. de Siqueira** (PG), **Alessandra N. L. Prezotti** (PG), **Samuel S. Medina** (PG), **Margareth C. Ozelo** (PQ).

Resumo

A infecção pelo vírus da hepatite C (HCV) pode afetar até 3% da população mundial, sendo sua principal forma de contágio através de contaminação de sangue infectado. Pacientes com distúrbios hemorrágicos são considerados grupo de risco, pois muitas vezes são expostos a transfusões de sangue. Recentemente foi observado que a presença de polimorfismos no gene da interleucina IL28B pode influenciar na evolução e resposta ao tratamento do HCV. Nosso objetivo foi analisar a presença desses polimorfismos e a ocorrência de clearance espontâneo do HCV em pacientes com doenças hemorrágicas. Entre 103 pacientes com doenças hemorrágicas hereditárias incluídos nesse estudo, observamos que os casos que apresentavam o haplótipo CC e o alelo C do polimorfismo IL28 rs12979860, apresentaram maior chance de clearance espontâneo do HCV. Esses dados estão de acordo com o relatado na literatura.

Palavras Chave: Hepatite C, Interleucina IL28, Hemofilia.

Introdução

Estima-se que cerca de 3% da população mundial esteja infectada pelo vírus da hepatite C (HCV). No Brasil, sua incidência em pacientes portadores de doenças hemorrágicas hereditárias é cerca de 30%. O tratamento é baseado na combinação do uso de interferon (IFN) alfa associado à ribavirina. A presença de determinados polimorfismos nos genes da interleucina (IL) 28B está relacionada a uma melhor taxa de resposta ao tratamento da HCV e ao clearance espontâneo do vírus. Portanto, pode ser um marcador prognóstico, influenciando na duração do tratamento e na escolha das drogas. Neste estudo, avaliamos dados epidemiológicos sobre a presença de infecção pelo HCV entre portadores de coagulopatias hereditárias provenientes do Hemocentro da Unicamp em Campinas, SP e do Hemocentro do Espírito Santo em Vitória, ES. Foi analisada a influência dos polimorfismos localizados no gene da IL28B (rs12979860 e rs8099917) e o índice de clearance espontâneo, ou seja, o desaparecimento da presença das partículas virais da hepatite C na circulação (RT-PCR para HCV negativo), sem que o paciente tenha recebido tratamento específico.

Resultados e Discussão

Neste estudo, foram selecionados 103 pacientes com doenças hemorrágicas hereditária, previamente contaminados pelo HCV, sendo 87 com diagnóstico de hemofilia A; 15 (14,6%) com hemofilia B e 1 com doença de von Willebrand. Entre os pacientes, 18 (17,5%) apresentavam coinfeção por HIV. Na avaliação do polimorfismo

IL28 rs12979860 foi observado que a presença do haplótipo CC, assim como do alelo C, está mais associado à ocorrência de clearance espontâneo do HCV (tabela 1). No caso do polimorfismo IL28 rs8099917, não foi observada diferença significativa.

Tabela 1. Referente ao polimorfismo IL28 rs12979860

	Clearance espontâneo N=22 (21%)	Sem Clearance espontâneo N=81 (79%)	P *
CC	13	29	0,05
CT	8	35	NS
TT	1	17	NS
alelo C	34	93	0,02
alelo T	10	69	

* $P \leq 0,05$ foi considerado estatisticamente significativos.

Conclusões

Pode-se concluir, dos dados apresentados que há maior chance de clearance espontâneo do HCV entre os pacientes estudados que apresentam o haplótipo CC e o alelo C do polimorfismo IL28 rs12979860. Tais dados são consistentes com a literatura mais recente¹.

Agradecimentos

Apoio Programa Institucional de Bolsas de Iniciação Científica (PIBIC) CNPq.

¹ Mancuso, M. E. Interferon lambda 3 rs12979860 polymorphism in patients with haemophilia and HCV infection: a predictor of spontaneous viral clearance and sustained virological response. *Thromb Haemost.* 2014 Jun ;111(6):1067-76.